家族内発症した肝膿瘍の2症例

¹⁾東京逓信病院感染症内科,²⁾臨床検査科,³⁾放射線科,⁴⁾消化器内科

条山 智¹⁾ 中井 達郎²⁾ 鈴木 丈夫³⁾ 光井 洋⁴⁾ 服部 雄介⁴⁾ 大久保政雄⁴⁾ 木村 晴⁴⁾ 関川憲一郎⁴⁾ 小林 克也⁴⁾ 橋本 直明⁴⁾

症例 1:21 歳 男性 主訴:発熱,上腹部痛

現病歴: 某年 12 月上旬, BT 40℃ の発熱. 翌日から, 上腹部痛. 他に自覚症状なし. 4 日目, 症状が持続するため病院を受診. 体温 38.7℃, 血圧 66/32mmHg, 敗血症性ショックとの判断であったが, 家族の希望で当院に搬送された. 腹部 CT で肝膿瘍と思われる異常所見を認めたため, 肝膿瘍とそれに伴う敗血症性ショックと判断し, 当院消化器内科に入院となった.

既往歴:5歳時に右鼠径ヘルニアの手術,アレルギー歴(-)

生活背景等:生来東京都で家族3人と同居,飲酒(-),喫煙(-),heterosexual,学生海外渡航歴:7歳頃にハワイ,中学3年時にニュージーランド,高校2年時にイギリス

家族歴: 父親が,約4年前と,約2年半前に肝膿瘍,2年前からC型慢性肝炎. 母親,兄弟,親戚に肝疾患はない.

入院時身体所見:意識清明, 呼吸数 10 回/分, SpO₂ 97%, 血圧 106/72mmHg, 脈拍 97 回/分, 体温 38.3℃

右上腹部に圧痛. それ以外に心音, 呼吸音, 皮膚, 神経所見等に異常なし.

入院時検査所見:WBC $12,400/\mu$ L (Stab. 2%, Seg. 86%),Hb 16.9mg/dL,Plt $9.1\times10^4/\mu$ L,Alb 3.3g/dL,ALT 92IU/L,AST 121IU/L, γ GTP 45IU/L,ALP 270IU/L,T. Bil 1.5mg/dL,Amy 24IU/mL,Lipase 14.3IU/mL,BUN 21.3mg/dL,Cre 1.2mg/dL,BS 135mg/dL

Hbs 抗原 (-), HCV 抗体 (-), 赤痢アメーバ 抗体 (-), HIV 抗体 (-)

入院時腹部 CT: 肝臓の右葉に, 直径 7cm の球型の, 内部がモザイク状の低エコーの病変を, 単発で認めた. 胃, 胆道, 膵臓には異常所見なし (Fig. 1).

肝膿瘍穿刺液 (入院第2病日): 肉眼的には茶褐色, やや粘調性であった. 腐敗臭はなし. グラム染色で, グラム陰性桿菌が観察された. また, 形態はアメーバらしき構造物が見えたが, 運動性はなく, 赤痢アメーバと断言できなかった.

細菌培養検査:血液培養3セット中3セットと, 肝膿瘍穿刺液から, Klebsiella pneumoniae のみ検出 された.

入院後経過:肝膿瘍の起炎菌として,一般細菌と

赤痢アメーバの両方の可能性を考えて、第1病日か ら, Imipenem (IPM/CS) 1.5g/日と Metronidazole 1500mg/日の併用投与を開始した. 第2病日. 再び ショックとなったため、肝膿瘍のドレナージを開始 したところ, 速やかに解熱し, 炎症反応も低下傾向 を示した. 培養検査結果から, K. pneumoniae が肝 膿瘍の起炎菌の1つであると考えて、ドレナージと IPM/CS の投与を継続した. K. pneumoniae の薬剤 感受性は良好であった (Fig. 2). 赤痢アメーバの 合併感染の可能性については、血清抗体が陰性で あっても否定はできず、Metronidazoleの10日間 投与も完遂した. 10日後に行った赤痢アメーバ血 清抗体の再検査が陰性であったため、結果的には赤 痢アメーバの合併感染は否定的であった. 経過中に 薬剤アレルギーが発生したために、第10病日に抗 菌薬を IPM/CS から Pazufloxacin 1000mg/日に変 更した.肝膿瘍は縮小し,第21病日にドレナージ を終了し、抗菌薬を内服に変更し、第24病日に軽 快退院した. 退院後に行われた下部消化管内視鏡検 査では、異常を認めなかった.

症例1のまとめ

基礎疾患がない正常免疫者が、誘因なく肝膿瘍を発症. 単発で巨大なものであり、起炎菌は K. pneu-moniae 単一菌種であった. 病歴聴取により、父親が過去に2回肝膿瘍を発症していることが分り、共

通の危険因子を調べるために、父親のカルテから臨 床情報を抽出した.

症例 2:(第1回目発症時)49歳 男性

主訴:発熱,腹痛,下痢

既往歴: 20 歳で虫垂炎 (手術), 26 歳で術後膿瘍 (詳細不明), ペニシリン, セフェム, ダーゼンの薬 剤アレルギー

生活背景等:山口県出身,技術職,海外出張多数, 飲酒(-), 喫煙(-)

病歴:(症例1の発症の4年前)某年1月,発熱, 下痢,腹痛で発症した.腹部CTでは、肝左葉外側 区、胃壁に接する、径45×30mmの膿瘍を単発で 認めた.胆道系には異常はなかった.ドレナージは

Fig. 1 症例 1, 入院時腹部造影 CT



行われず、細菌培養検査はなく、抗菌薬14日間投与のみで、2カ月後には病変は完全に消失した。HIV 抗体、赤痢アメーバ抗体は、それぞれ2回陰性であった。

翌年5月,発熱,下痢が出現し,腹部CTでは前回とは全く別の区域である肝S5に30×20mmの膿瘍を単発で認めた.抗菌薬投与のみで経過観察したところ,径60mmまで増大した.その後はドレナージと抗菌薬を合計10週間投与され軽快した.第2回目の肝膿瘍発症時には,血液培養2セットと穿刺液培養からK.pneumoniaのみを検出した.症例2は,下部消化管内視鏡は行われていない(Fig.3).

Fig. 2 K. pneumoniae の 薬剤感受性検査結果

	MIC	
ABPC	16	Ι
PIPC	<8	S
CEZ	<4	S
CTM	<8	S
CTX	<8	S
CPR	<8	S
AZT	<8	S
IPM/CS	<1	S
GM	<1	S
LVFX	<1	S

Fig. 3 症例 2, 第 2 回目入院時の腹部造影 CT

10週間後

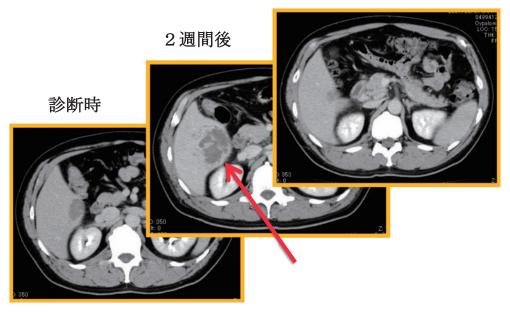


Fig. 4 症例 1 の血液培養から検出された Klebsiella pneumoniae の外観



症例1と2のまとめ

肝膿瘍が家族内で2例、症例2は2回も発症した。2例とも基礎疾患はなく、誘因も、共通した危険因子もなかった。いずれの症例も起炎菌はK. pneumonia の単一菌種であり、肝臓に単発であった。2症例から検出されたK. pneumonia は、コロニーに非常に光沢があり、高粘調性であった(Fig. 4).

"本症例の疑問点"から"研究的考察"へ

東邦大学医学部微生物・感染症学講座 原田 壮平

1. 肝膿瘍の起因微生物の頻度分布は?

細菌性肝膿瘍の起因菌としては Escherichia coli, Klebsiella spp., Streptococcus anginosus group, viridans streptococci, Enterococcus spp., Bacteroides spp. などが上位を占め、20-50%の症例は複数の微生物が起因菌となる¹⁾. 肝膿瘍の発症経路には胆道性(最多), 肝動脈性, 門脈性, 外傷性, 周囲の感染症の直接波及, 特発性がありいずれの経路で発症したかによっても起因菌の分布は異なる¹⁾. 例えば血行性播種による肝動脈性の発症の場合は Staphylococcus sp.や Streptococcus sp.が単一の起因菌となる場合が多く, 胆道性の場合は特発性の場合と比して複数菌が培養陽性となることが多いとされる²⁾.

肝膿瘍症例において細菌以外の起因微生物の関与を疑う契機として基礎疾患、渡航歴などの患者背景が重要であり、例えば好中球減少患者の血球回復期に肝多発膿瘍が認められた場合は肝脾カンジダ症が重要な鑑別診断の一つとなり³³、ヘモクロマトーシス患者では Yersinia enterocolitica⁴⁰、流行地への居住歴を有する患者などではエキノコッカス⁵⁰も考慮する必要がある.

Entamoeba histolytica によるアメーバ性肝膿瘍は 細菌性以外の肝膿瘍の中で比較的頻度が高く、ドレ ナージ施行の適応も細菌性肝膿瘍とは異なるので特 に重要である. 流行地への渡航歴がある場合や男性 同性愛者では高リスクと考える6. 古典的には肝右 葉に単発の巨大病変を作ることが特徴的と言われて いるが実際には画像所見のみでの細菌性肝膿瘍との 鑑別は困難であり、中には末梢血の白血球左方移動 や肝多発病変を呈し、細菌性肝膿瘍を疑わせる例も あることが報告されている". 非流行地における診 断には血清アメーバ抗体検査が有用であり感度は 90%を超えるが、発症2週以内の急性期には陰性 のこともある(20-30%)ので必要な場合は間隔を 空けて検査を反復する⁸. 通常は診断・治療目的の 穿刺吸引は不要であるが治療反応不良例などで細菌 性との鑑別が必要な場合は施行されうる.

台湾では1990年頃から Klebsiella pneumoninae による市中発症の原発性肝膿瘍 (Primary liver abscess: PLA) の症例が増加していることが報告されていた⁹. これらの患者の多くは敗血症を伴い.

一部は播種性の髄膜炎や眼内炎の合併を伴うなど重 症の病態を呈していた. 台湾のある基幹病院の 2000-2003 年の肝膿瘍症例 107 例の検討では血液培 養陽性 61 例のうち 57 例 (93.4%), 膿瘍培養陽性 79 例のうち65 例 (82.3%) において K. pneumoniae が 検出されている100. 韓国でも市中発症の肝膿瘍にお ける K. pneumoniae の分離頻度の増加が報告されて いる. 韓国の21の大学病院における2004-2005年 の培養陽性の市中肝膿瘍症例のレビューでは K. pneumoniae が起因菌の 78.1% を占めており、過去 の同様の調査の結果と比較すると、1980年代以降 起因菌における E. coli の頻度が減少し、代わりに K. pneumoniae の頻度が増加する傾向が顕著であっ た. さらに起因菌の K. pneumoniae のうち 55.8% を 莢膜血清型1型(K1)株が占めていた¹¹⁾. 国内では 肝膿瘍の起因菌に関する大規模な疫学調査は少ない が県西部浜松医療センターが 1995-2004 年までの 10年間の43例の細菌性肝膿瘍症例の起因微生物を 検討した(なお、同期間におけるアメーバ性肝膿瘍 は6例)ところ、前半の5年間と比べて後半の5年 間では E. coli が減少し(25%→11%), K. pneumoniae が増加していた(17%→35%)と報告している12).

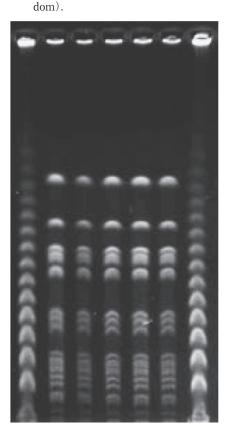
K. pneumoniae の中で高い病原性を示す株は存在するのか?

台湾の市中発症肝膿瘍患者から分離された K. pneumoniae 菌株は固形培地上のコロニーが高粘稠 性を示しており、コロニーを細菌検査用のループで 釣菌すると 5mm 以上の糸を引くという特徴を示し ていた¹³⁾. PLA の代表的起因菌株である NTUH-K 2044 株の基礎的な解析により, K. pneumoniae に「血 中の貪食細胞に対する抵抗性」「血清の殺菌能に対 する耐性」「コロニーの高粘稠性」を付与する遺伝 子として magA が同定された¹³. 同研究で調査対象 とした PLA の起因菌株 53 株のうち 52 株は mag A を有しており、その他の K. pneumoniae 113 株では わずか3株のみで magA 遺伝子が陽性であった. 後 に magA は K1 の莢膜合成に関与するオペロン内に 存在する遺伝子 wzy_K1 であることが判明し、K. pneumoniae の K1 株が台湾の市中の PLA 発症に関 与していたと考えられた14. 本病態に関しては米国

Table 1 解析に用いた菌株の特徴

菌株名	被分離者	培養分離検体	分離時期	莢膜血清型	ST type
TUM9518	症例 1	血液	2009年12月	K1	23
TUM9519	症例1	肝膿瘍穿刺液	2009年12月	K1	23
TUM9520	症例2(症例1の父)	血液	2007年5月	K1	23
TUM9521	症例1の母	便	2010年1月	K1	23
TUM9522	症例1の母	咽頭	2010年1月	K1	23

Fig. 1 対象菌株のゲノム DNAの制限酵素 XbaI 処理後のパルスフィールドゲル電気泳動パターン1. TUM9518, 2. TUM9519, 3. TUM9520, 4. TUM9521, 5. TUM9522, M. Lamda Ladder PFG Marker (New England Biolabs, Hertfordshire, United King-



M 1 2 3 4 5 M

の標準的な教科書でも 'Epidemic Klebsiella pneumoniae Pyogenic Liver Abscess' として1項目を割いて記載がある¹⁾. なお K. pneumoniae の病原因子として莢膜多糖体、リポ多糖、アドヘジン(Type 1 pili、Type 3 pili、CF29K など)、シデロフォア(Enterobactin、Aerobactin)などが知られているが、中でも莢膜多糖体は主要な病原因子と考えられてお

り、これに基づき K. pneumoniae は K1~K77 の血清型に分類される¹⁵⁾. ある報告では台湾で 1993–1997年に臨床分離された K. pneumoniae 1000 株のうち K1 株が占める割合は 21.7% であった¹⁶⁾のに対して欧米各地で 1980年前後に収集された K. pneumoniae 703 株のうち K1 株の占める割合は 1.5% と大きな差が認められている.

さらにその後, K1 株の中でも遺伝学的背景の異 なる株では病原性に差があることを示唆する報告が なされている. Multilocus Sequence Typing (MLST) は細菌の生存に関わり進化速度の遅い遺 伝子であるハウスキーピング遺伝子の塩基配列を決 定し、データベースに登録された配列と比較・解析 することで細菌の遺伝子学的系統解析を行う手法で ある. 世界各地で分離された K. pneumoniae の K1 株を MLST で分類すると [Sequence Type (ST) 23 およびその近縁株」,「ST82 およびその近縁株」の 2群に分類されたと報告されている18). マウスへの 感染実験においてはST23のグループの株はST82 のグループの株と比べて有意にマウスの致死率が高 かった¹⁸⁾. さらに、韓国において市中 PLA 患者か ら分離された K1 株 73 株のうち 71 株が ST23 で あったと報告されている19).

3. 起因菌株のコロニーの高粘稠性は病原性と関連しているのか?

上述のように固形培地上のコロニーの高粘稠性は 台湾の重症市中肝膿瘍の起因菌株の特徴と解釈され、その高病原性と関連する magA 遺伝子を同定する契機となった。しかしながら一般の臨床で分離された K. pneumoniae の中でもコロニーが高粘稠性を示す菌株は少なからず認められる。 Yu らは K1 株とコロニーの高粘稠性の関係について検討し、対象とした K1 株 26 株のうち9 株は高粘稠性を示す ず、一方で非 K1 株 125 株の中でも高粘稠性を示す株が 41 株認められ、実は「K1 株とコロニーの高粘 稠性」の関係は高くなかったと報告している²⁰⁰. むしろ、莢膜外多糖体の合成の調節遺伝子でありムコイド型コロニーの形成と関連する rmpA 遺伝子を保 有していることや分離株が膿瘍由来の検体であることが、コロニーが高粘稠性であることと有意な相関を示した.これまで高粘稠性の基準として用いられている「細菌検査用のループで釣菌すると 5mm 以上の糸を引く」という基準を再考する余地はあるかもしれないが、現時点ではコロニーの高粘稠性は K1 株を疑うスクリーニング手段としては限定的な役割しか有さないと考えられる.

4. 今回の分離株の検討

これらの報告を踏まえ, 今回の症例に由来する分 離株を用いて基礎的な検討を行った21). 解析に先立 ち今回の症例の同居家族における高粘稠性の K. pneumoniae の保菌調査を行った. 同居家族全員か ら咽頭培養, 便培養の検体を採取し, BTB 乳糖加 寒天培地(グラム陰性桿菌の非選択培地)に生育し たコロニーのうちで高粘稠性を示すコロニーを選択 し、菌種の同定を行った. その結果、症例1の母が 咽頭, 便に高粘稠性の K. pneumoniae を保菌してい ることが判明した. これらに加え, 症例1の血液培 養・膿瘍穿刺液培養および症例2の血液培養の保存 株の合計5株(TUM9518~9522)を解析の対象と した (Table 1). これら 5 株の関連性を検討するた めにパルスフィールドゲル電気泳動(菌株の全ゲノ ム DNA を特定の制限酵素で切断し、その電気泳動 パターンの比較により菌株間のクローン関連性を検 証する方法)を施行した. 結果, これらの5株はす べて同一の電気泳動パターンを示し、同一株である ことが判明した (Fig. 1). さらに MLST でこれら の株はST23であることも確認された. これらの株 の代表的病原遺伝子の保有の有無について PCR で 確認したところ rmpA, allS, mrkD, kfu, fimH, uge, wabG, ureA は陽性で, cf29a のみ陰性であった. こ の保有パターンは台湾の代表的侵襲性 K1 株である NTUH-K2044 と同一の結果であった¹³⁾¹⁸⁾. 症例 2 は 韓国への渡航歴があったがそれ以外の家族には特記 すべき渡航歴は認めなかった.

要約すると「少なくとも2年半の期間にわたって同一家族内の3名の間でST23に属する同一のK. pneumoniae 菌株が維持され、そのうち2名の免疫正常者に肝膿瘍を発症した」という事例であった. なお、本事例の症例は2例とも男性であり、症例2においては初回治療後の再発症が認められている. 過去にも K1 株による肝膿瘍は男性では女性よりも高頻度にみられることが報告されているが²²⁾、性別により K1 株による侵襲性感染症に対する抵抗性に差があるか否かは基礎的には検証されていない. ま

た, K1 株による肝膿瘍は再発例が多いことも報告されている²³⁾が, 症例 2 にみられた 2 度の肝膿瘍罹患が同一株による再発であったか否かは初回発症時の起因菌が同定されていないことから不明である.

5. 本邦の状況と今後の課題

本邦においても K1 株による市中の原発性肝膿瘍 の報告は散発的に認められ、Kohayagawa らは基 礎疾患不明ながら敗血症, 多発性の筋融解壊死を伴 い来院後短時間で死亡した例を報告している24.本 邦の K. pneumoniae 臨床分離株において K1 株が占 める割合については、名古屋大学病院および近隣の 一般病院で1984-1986年に分離された K. pneumoniae 257 株のうち13 株 (5.0%) が K1 株であった と報告されている²⁵⁾. また, 渋谷らは 2004-2006 年 に東邦大学医療センター大森病院及び東京医科大学 病院で種々の臨床検体 (呼吸器検体23, 血液14, 尿 13, 膿 16 など)より分離された K. pneumoniae 104 株についてコロニーの高粘稠性、magA遺伝子の保 有などについて調べ、13株(12.5%)がK1株(magA 遺伝子保有)であった. なお, 高粘稠性を有する 40 株のうち36株がrmpAを保有しており、高粘稠性 を有さない株ではrmpA保有株は1株も存在しな かった²⁶⁾. 以前は国内で Klebsiella spp.の K1~K6型 に対する型別判定用キットが市販されていたが、現 在は発売中止となっている. このため臨床医や臨床 検査技師などが K1 株による重症感染症の存在に関 心を持ち,分離株の遺伝子検査を依頼しない限り K1 株が同定されることは無い.

K1株の病原性研究においては未だに解明されてない点も多い。K1株が台湾・韓国の市中肝膿瘍患者の起因菌として高頻度に分離されること,K1株から magA 遺伝子を実験的に欠損させることでマウスに対する病原性の低下がみられることなどからK1株が本病態において重要であることは示唆されている。しかしながら K1株の中でも本病態と関連し病原性が高い株(ST23)と病原性の低い株(ST82)が存在するようであるが¹⁸⁾,その差異を生み出す因子は同定されていない。両群には複数の既知の病原遺伝子の保有頻度について系統的な差異が認められている¹⁸⁾ため,これらのいずれか,あるいはその他の未知の病原因子が関与している可能性がある。

本邦において K1 株がどの程度の頻度で存在し、 どのような病態をきたしているのかは明らかではない、今後、侵襲性感染症をきたした K. pneumoniae 株の解析、日本の K. pneumoniae 臨床分離株の莢膜 血清型別、K1 株の病原性に関する基礎的検討を通

文献

- 1) Sifri CD, Madoff LA: Infections of the liver and biliary system. In: Mandell GL, Bennett JE, et al., Mandell, Douglas, and Bennett's Principles and Practice of Infectious Diseases. 7 th ed., Churchill Livingstone, 2010: p. 1035—44.
- Seeto RK, Rockey DC: Pyogenic liver abscess. Changes in etiology, management, and outcome. Medicine (Baltimore). 1996; 75: 99—113.
- 3) Thaler M, Pastakia B, Shawker TH, O' Leary T, Pizzo PA: Hepatic candidiasis in cancer patients: the evolving picture of the syndrome. Ann Intern Med. 1988; 108: 88—100.
- 4) Vadillo M, Corbella X, Pac V, Fernandez-Viladrich P, Pujol R: Multiple liver abscesses due to *Yersinia enterocolitica* discloses primary hemochromatosis: three cases reports and review. Clin Infect Dis. 1994; 18: 938—41.
- 5) McManus DP, Zhang W, Li J, Bartley PB: Echinococcosis. Lancet. 2003; 362: 1295—304.
- Warhurst DC. Amebic infections. In: Cohen J, Powderly WG, and Opal SM, et al, Infectious Diseases. 3rd ed., Mosby Elsevier, 2010. p. 1148— 53
- 7) Nattakom S, Serrato P, Bright T, Anaya A, Stubbers S, Verghese A: Amebic liver abscesses masquerading as pyemic abscesses. Clin Infect Dis. 2001; 33: e145—7.
- 8) Haque R, Huston CD, Hughes M, Houpt E, Petri WA Jr: Amebiasis. N Engl J Med. 2003; 348: 1565—73.
- 9) Wang JH, Liu YC, Lee SS, Yen MY, Chen YS, Wang JH, et al: Primary liver abscess due to *Klebsiella pneumoniae* in Taiwan. Clin Infect Dis. 1998: 26: 1434—8.
- 10) Chan KS, Chen CM, Cheng KC, Hou CC, Lin HJ, Yu WL: Pyogenic liver abscess: a retrospective analysis of 107 patients during a 3-year period. Jpn J Infect Dis. 2005: 58: 366—8.
- 11) Chung DR, Lee SS, Lee HR, Kim HB, Choi HJ, Eom JS, et al; Korean Study Group for Liver Abscess: Emerging invasive liver abscess caused by K1 serotype *Klebsiella pneumoniae* in Korea. J Infect. 2007; 54:578—83.
- 12) 高橋百合美, 影山富士人, 竹平安則, 山田正美, 室久 剛, 片岡英樹, : 過去 10 年間における当 院肝膿瘍症例の検討. 肝臓 2008; 49:101—7.
- 13) Fang CT, Chuang YP, Shun CT, Chang SC, Wang JT: A novel virulence gene in *Klebsiella* pneumoniae strains causing primary liver abscess and septic metastatic complications. J Exp Med. 2004: 199: 697—705.
- 14) Chuang YP, Fang CT, Lai SY, Chang SC, Wang JT: Genetic determinants of capsular serotype

- K1 of *Klebsiella pneumoniae* causing primary pyogenic liver abscess. J Infect Dis. 2006; 193: 645—54.
- 15) Podschun R, Ullmann U: *Klebsiella* spp. as nosocomial pathogens: epidemiology, taxonomy, typing methods, and pathogenicity factors. Clin Microbiol Rev. 1998; 11:589—603.
- 16) Fung CP, Hu BS, Chang FY, Lee SC, Kuo BI, Ho M, *et al*: A 5-year study of the seroepidemiology of *Klebsiella pneumoniae*: high prevalence of capsular serotype K1 in Taiwan and implication for vaccine efficacy. J Infect Dis. 2000: 181: 2075—9.
- 17) Cryz SJ Jr, Mortimer PM, Mansfield V, Germanier R: Seroepidemiology of *Klebsiella* bacteremic isolates and implications for vaccine development. J Clin Microbiol. 1986; 23: 687—90.
- 18) Brisse S, Fevre C, Passet V, Issenhuth-Jeanjean S, Tournebize R, Diancourt L, et al: Virulent clones of Klebsiella pneumoniae: identification and evolutionary scenario based on genomic and phenotypic characterization. PLoS One. 2009; 4: e4982.
- 19) Chung DR, Lee HR, Lee SS, Kim SW, Chang HH, Jung SI, *et al*: Evidence for clonal dissemination of the serotype K1 *Klebsiella pneumoniae* strain causing invasive liver abscesses in Korea. J Clin Microbiol. 2008: 46: 4061—3.
- 20) Yu WL, Ko WC, Cheng KC, Lee HC, Ke DS, Lee CC, et al: Association between rmpA and magA genes and clinical syndromes caused by Klebsiella pneumoniae in Taiwan. Clin Infect Dis. 2006: 42:1351—8.
- 21) Harada S, Tateda K, Mitsui H, Hattori Y, Okubo M, Kimura S, *et al*: Familial spread of a virulent clone of *Klebsiella pneumoniae* causing primary liver abscess. J Clin Microbiol. 2011; 49: 2354—6.
- 22) Fang CT, Lai SY, Yi WC, Hsueh PR, Liu KL, Chang SC: Klebsiella pneumoniae genotype K1: an emerging pathogen that causes septic ocular or central nervous system complications from pyogenic liver abscess. Clin Infect Dis. 2007: 45:284—93.
- 23) Yang YS, Siu LK, Yeh KM, Fung CP, Huang SJ, Hung HC, et al: Recurrent Klebsiella pneumoniae liver abscess: clinical and microbiological characteristics. J Clin Microbiol. 2009; 47: 3336—9.
- 24) Kohayagawa Y, Nakao K, Ushita M, Niino N, Koshizaki M, Yamamori Y, et al: Pyogenic liver abscess caused by Klebsiella pneumoniae genetic serotype K1 in Japan. J Infect Chemother. 2009: 15: 248—51.
- 25) Mori M, Ohta M, Agata N, Kido N, Arakawa Y, Ito H, et al: Identification of species and capsular types of Klebsiella clinical isolates, with spe-

cial reference to *Klebsiella planticola*. Microbiol Immunol. 1989; 33:887—95. 26) 渋谷理恵,舘田一博,石井良和,岩田守弘,松 本哲哉,山口惠三:肺炎桿菌の病原因子遺伝子 magA, rmpA に関する基礎的検討,第18回日本 臨床微生物学会総会,長崎,2007.